

FIGURE 1
Amino Acid Sequence Alignment of CCAAT Box DNA Binding Transcription Factors

SEQ ID NO:2	MAEAPASPGG	GGSHESGSP	RGGGGGGSVR	EQDRFLPIAN	ISRIMKKAIP	ANGKTIPANG
SEQ ID NO:3	MAEAPASPGG	GGSHESGSP	RGGGGGGSVR	EQDRFLPIAN	ISRIMKKAIP	ANGK-----
SEQ ID NO:6	MSDAPPSPTH	--ESGGEQSP	RG-SSSG-AR	EQDRYLPIAN	ISRIMKKALP	PNGK-----
SEQ ID NO:7	MADTPSSPAG	DGG---ES--	-----GGSVR	EQDRYLPIAN	ISRIMKKALP	PNGK-----
SEQ ID NO:8					R EQDRYLPIAN ISRIMKKALP	PNGKXXXXXX
SEQ ID NO:10	MXXPXSPXX					
SEQ ID NO:2	KIAKDAKETV	QECVSEFISF	ITSEASDKCQ	REKRKTINGD	DLWAMATLG	FEDYIEPLKV
SEQ ID NO:3	-IAKDAKETV	QECVSEFISF	ITSEASDKCQ	REKRKTINGD	DLWAMATLG	FEDYIEPLKV
SEQ ID NO:6	-IAKDAKDTM	QECVSEFISF	ITSEASEKCQ	KEKRKTINGD	DLWAMATLG	FEDYIEPLKV
SEQ ID NO:7	-IGKDAKDTV	QECVSEFISF	ITSEASDKCQ	KEKRKTVNGD	DLWAMATLG	FEDYLEPLKI
SEQ ID NO:8	XIAKDAKXTX	QECVSEFISF	ITSEASXKCQ	KEKRKTINGD	DLWAMATLG	FEDYIEPLKV
SEQ ID NO:2	YLQKYREMEG	DSKLTAKSSD	GSIKKDALGH	VGASSSAAQ	MGQQGAYNQ	MGYMQPQYHN
SEQ ID NO:3	YLQKYREMEG	DSKLTAKSSD	GSIKKDALGH	VGASSSAAEG	MGQQGAYNQ	MGYMQPQYHN
SEQ ID NO:6	YLARYREAEG	DTKGSARS	GD	GSATPDQVGL	AGQNSQLVHQ	GSLNYIGLQV
SEQ ID NO:7	YLARYRELEG	DNKSGKSGD	GSNRDAGGV	S	G	SGEEMPSW
SEQ ID NO:8	YLXXYREXEG					
SEQ ID NO:9		DSKLTAKSSD	GSIKKDALGH	VGASSSAAAG	MGQQGAYNQ	MGYMQPQYHN
SEQ ID NO:2	GDISN					
SEQ ID NO:3	GDISN					
SEQ ID NO:6	MPSMQSHE					
SEQ ID NO:9	GDISN					